



LAUREE MAGISTRALI BCMSB, BEEAA, BIOINF
SEDUTA DI LAUREA 11-12 DICEMBRE (AA 2024-2025)
AULA GISMONDI

CONTRORELATORI

Corso	Nome	Titolo tesi	Relatore	Correlatore/Relatore esterno	Controrelatori
BIOINFORMATICA	ABETE VINCENZO	Analisi trascrittomica dell'acclimatazione al rosso lontano di un cianobatterio endolitico di ambiente desertico	Daniela Billi	Marco Maria D'Andrea	Gerardo Pepe
BIOINFORMATICA	ANNICCHIARICO ALICE	Data-Driven Stratification of Splenectomised Thalassemia Patients via Unsupervised Clustering of Mixed Clinical Features	Francesca Sacco	Ilaria Granata	Pier Federico Gherardini
BIOINFORMATICA	COLUCCI DOMENICO	Modellazione della digestione delle proteine del latte materno e valutazione della bioattività peptidica	Andrea Cabibbo	Giacomo di Benedetto	Federico Iacovelli
BIOINFORMATICA	LORENZI LUCA	Analisi proteomica dell'acclimatazione al rosso lontano di un cianobatterio endolitico di ambiente desertico	Daniela Billi	Marco Maria D'Andrea	Lorenzo Camoni
BIOINFORMATICA	MAGNONI TOMMASO	Pipeline bioinformatica per la caratterizzazione trascrittomica e l'analisi comparativa di cellule CAR-T nel trattamento del neuroblastoma ad alto rischio	Francesca Sacco	Concetta Quintarelli	Marco Maria D'Andrea
BIOINFORMATICA	MOLELLA FRANCESCA	Sviluppo e valutazione di una pipeline per l'identificazione di varianti genetiche mediante long-read sequencing	Federico Iacovelli	Edoardo Giacomuzzo	Gabriele Ausiello
BIOINFORMATICA	VALENTI ALESSANDRO	Eterogeneità intratumorale nel melanoma: dallo studio osservazionale all'integrazione multi-omica di imaging, genomica e trascrittomica per la stratificazione prognostica	Stefania Gonfloni	Martina Betti	Michela Biancolella
BIOINFORMATICA	VANELLI LUCREZIA	BRIO 2.0: un'applicazione Web per la scansione dei motivi di sequenza e di struttura negli RNA che interagiscono con proteine	Gerardo Pepe	Gabriele Ausiello	Andrea Cabibbo
BCMSB	BAROCCI GAIA	Studio della funzione di Caspasi-8 nella regolazione dell'espressione di PD-L1 e delle molecole HLA di classe I nell'immuno-evasione del Glioblastoma	Daniela Barilà	Claudia Contadini	Francesca Nazio
BCMSB	FIORE REBECCA	Analisi della regolazione del pathway infiammatorio NF- κ B in cellule mononucleate del sangue periferico di pazienti affetti da glaucoma primario ad angolo aperto (POAG)	Tundo Grazia Raffaella	Sbardella Diego	Carla Montesano
BCMSB	MARULLA AURORA	Analisi dell'espressione di EGFL7 nelle cellule del cumulo: implicazioni nella competenza ovocitaria	Silvia Galardi	Massimiani/Campagnolo	Stefania Gonfloni
BCMSB	TAPAZIDOU SPANOUDI ILIANA	Analisi del sequenziamento dell'esoma completo e del trascrittoma per l'identificazione di biomarcatori prognostici e predittivi nei pazienti affetti da carcinoma polmonare non a piccole cellule	Francesca Sacco	Fountzila Eleni/Kiriaki Papadopoulou	Carla Jodice
BEEAA	BONVENTRE LUCA	Analisi spazio-temporale delle comunità ittiche e delle popolazioni di Vairone nel medio-alto corso del Fiume Farfa	Lorenzo Tancioni	Lorenzo Talarico	Folco Giomi
BEEAA	D'ADDARIO ALESSANDRA	La dispersione del gatto domestico (Felis catus) in Europa: nuovi contributi dalle analisi di DNA antico	Claudio Ottoni	Marco De Martino	Paolo Gratton
BEEAA	PETRELLA DAVIDE	Evoluzione della fenologia migratoria di uccelli passeriformi in oltre 25 anni di dati da due stazioni di inanellamento alpine	Paolo Gratton		Lorenzo Tancioni
BEEAA	SPERA LETIZIA	Evoluzione demografica di una popolazione di Ululone appenninico nel Lazio meridionale: uno studio di cattura-ricattura dal 2011 al 2024	Paolo Gratton		Tommaso Russo
BEEAA	TOTI ROBERTA	Analisi dei moduli regolativi miR397-LAC2 e miR398-Cu/Zn SOD nella risposta allo stress da calore nelle radici di grano (Triticum aestivum L.)	Angelo Gismondi	Gabriele Di Marco	Katia Aquilano